进境美国大豆夹杂向日葵黑茎病菌的检疫鉴定

Identification of the quarantine fungus *Plenodomus lindquistii* within the soybean seeds imported from the United States李雪莲^{1,2} 张慧丽^{1,2} 段丽君¹ 陈先锋^{1,2} 段维军^{1,2*}

(1. 宁波检验检疫科学技术研究院, 浙江 宁波 315012; 2. 宁波海关, 浙江 宁波 315012)

LI Xuelian^{1,2} ZHANG Huili^{1,2} DUAN Lijun¹ CHEN Xianfeng^{1,2} DUAN Weijun^{1,2*}

(1. Ningbo Academy of Inspection and Quarantine, Ningbo 315012, Zhejiang Province, China;

2. Ningbo Customs District, Ningbo 315012, Zhejiang Province, China)

大豆是一种重要的粮食作物和食用油原料,国内的市场需求量日益增长,目前我国已成为大豆净进口国。进口大豆虽能满足国内市场需求,但加大了外来有害生物传入的风险。向日葵黑茎病是一种毁灭性的向日葵病害,其病原菌向日葵黑茎病菌 *Plenodomus lindquistii* 属于我国进境检疫性植物病原真菌(段维军等,2015;2017)。2017年12月,宁波口岸自进境美国大豆夹杂的向日葵种子上分离获得1株菌株72298-10,为明确其分类地位,本研究通过形态学观察、ITS序列分析和致病性测定对其进行鉴定,以期口岸疫情检测、防控和后续处理等工作提供参考。

1 材料与方法

1.1 材料

供试菌株及向日葵:自进境美国大豆夹杂的向日葵种子中挑选变色或形态异常的种子,采用常规平板分离法获得1株疑似向日葵黑茎病菌分离物,对其进行单孢纯化后获得菌株72298-10,于4℃下马铃薯葡萄糖琼脂(potato dextrose agar, PDA)斜面培养基保存,备用。食用型向日葵品种SH363由新疆阿拉山口海关提供,25℃、自然光照条件下在温室中培育12周后供试。

培养基、试剂和仪器:PDA培养基:马铃薯200 g、葡萄糖20 g、琼脂20 g,蒸馏水定容至1 L。TAN-Bead[®] Plant DNA Auto Kit核酸提取试剂盒,台湾奈米技术开发有限公司;PCR预混液,北京康为世纪生物科技有限公司;其它试剂均为国产分析纯。Axio Scope. A1显微镜,德国Zeiss公司;C1000 Touch PCR仪、PowerPac Basic电泳设备、Gel Doc EQ型凝胶成

像系统,美国Bio-Rid公司。

1.2 方法

形态学特征观察:将供试菌株72298-10接于PDA平板上,25℃下暗培养7 d后观察菌落形态特征;再在12 h光照/12 h黑暗交替条件下培养7 d后,用解剖针挑取分生孢子器置于加有水滴的玻片上,盖上盖玻片,小心压破后,显微镜下观察其形态特征,分别测量100个分生孢子器和分生孢子的大小。

ITS序列分析:采用段维军等(2015)方法,利用核酸提取试剂盒提取菌株72298-10基因组DNA,浓度达5 ng/μL以上后于-20℃保存备用。利用真菌通用引物ITS1(5'-TCCGTAGGTGAACCTGCGG-3')/ITS4(5'-TCCTCCGCTTATTGATATGC-3')进行ITS扩增,引物由英潍捷基(上海)贸易有限公司合成。25 μL PCR反应体系:PCR预混液12.5 μL、正反向引物各1 μL、模板DNA 1 μL、ddH₂O 9.5 μL。反应程序:95℃预变性3 min;95℃变性40 s,53℃退火40 s,72℃延伸60 s,35个循环;72℃再延伸10 min。PCR扩增产物经2%琼脂糖凝胶电泳检测后,送北京六合华大生物技术有限公司进行双向测序。测序所得序列拼接后,与NCBI中下载的向日葵黑茎病菌及其近似种的ITS序列用MEGA 6.0软件进行比对分析,以草茎点霉 *Phoma herbarum* 的ITS序列(序列号AY293791和JQ754707)为外群,应用邻接法构建系统发育树,用自展分析法进行检验,共循环1 000次。

致病性测定:挑选3株苗龄12周的向日葵幼苗,每株取茎秆顶部、中部和根部3个部位,经70%酒精消毒后,用接种针刺入约0.5 cm深,在培养7 d的菌株72298-10菌落边缘打取直径5 mm菌饼,将菌丝

面贴放在伤口表面,用湿润灭菌脱脂棉覆盖伤口。以PDA培养基处理为对照,每处理3次重复。于22℃、日常光照条件下进行培养,接种后逐日观察记录发病情况,15 d后对发病部位进行再分离,观察分离菌株的性状与原接种菌株是否一致。

2 结果与分析

2.1 菌株72298-10的形态学特征

菌株72298-10培养7 d后菌落直径可达3.5 cm,正面为浅灰色,后期转为黑褐色,背面呈橄榄色或灰黑色;气生菌丝稀少,呈白色,多丛生于培养基中央。产生的分生孢子器为黑褐色,半埋生,呈球形或近球形,有突起,可分散或聚生在一起,直径为210~

540 μm。轻轻挤压分生孢子器会释放大量无色分生孢子,呈肾形至椭圆形,单胞,两端有油球,大小为3.6~9.1 μm×2.8~4.8 μm。

2.2 菌株72298-10的ITS序列分析

经真菌ITS通用引物扩增后获得的片段长度为581 bp, BLAST 比对分析发现其与NCBI中登录号为KU361373、KU361380、JF740232等多株向日葵黑茎病菌的ITS序列一致性达100%。系统发育树显示,菌株72298-10与多株向日葵黑茎病菌聚在同一分支,而其它近似种聚在其它分支(图1)。结合形态特征和ITS序列分析结果可将菌株72298-10鉴定为向日葵黑茎病菌。

图1 基于ITS序列采用邻接法构建向日葵黑茎病菌及其近似种的系统进化树

Fig. 1 Phylogenetic tree of *Plenodomus lindquistii* and related species based on ITS sequence with neighbor-joining method

2.3 菌株72298-10的致病性

接种2 d后,3株向日葵茎秆顶部、中部、根部均出现典型的黑色病斑,并快速向茎秆扩展,边缘清晰,严重时病斑可绕茎一周,造成植株倒伏,与田间向日葵黑茎病典型症状相同;而对照未发病。取发病部位进行再分离培养,分离菌株的性状与原接种菌株一致。

3 讨论

本研究基于形态学特征、ITS序列分析和致病性测定结果,在进境美国大豆夹杂的向日葵种子上分离鉴定出向日葵黑茎病菌。近年来,随着口岸植物检疫工作的不断深入,检疫性真菌检测鉴定能力逐步增强,如多次从进境大豆中截获大豆北方茎溃疡病菌 *Diaporthe caulivora*、大豆茎褐腐病菌 *Phialophora gregata* 等检疫性真菌(段维军等,2017)。美国、巴西、澳大利亚等我国进口粮油作物生产大

国,机械化程度较高,在进境大宗粮油货物中夹杂其它植物种子、植物病残体的可能性也较高,口岸检疫部门应对进境货物中夹杂物的检疫予以高度关注,以防检疫性真菌跨境传播。

参考文献 (References)

- DUAN WJ, LI L, MO SM, DUAN LJ, CAI L. 2015. Identification of the quarantine fungus *Plenodomus lindquistii* from the sunflower seeds imported from Kazakhstan. *Journal of Plant Protection*, 42(5): 795-800 (in Chinese) [段维军, 李兰, 莫善明, 段丽君, 蔡磊. 2015. 进境哈萨克斯坦向日葵种子中向日葵黑茎病菌的鉴定. *植物保护学报*, 42(5): 795-800]
- DUAN WJ, YAN J, CAI L, ZHU SF. 2017. The current status and future prospect of fungal quarantine in China. *Mycosystema*, 36(10): 1311-1331 (in Chinese) [段维军, 严进, 蔡磊, 朱水芳. 2017. 我国进境植物检疫性菌物截获现状与展望. *菌物学报*, 36(10): 1311-1331]

(责任编辑:李美娟)